

Diseño de experimentos - Experimentos de un factor



<http://www.academia.utp.ac.pa/humberto-alvarez/disenio-de-experimentos-y-regresion>

Introducción



- Aunque se sigue considerando un solo factor, se presentan los diseños experimentales que se utilizan cuando el objetivo es comparar más de dos tratamientos.
- El interés se centra no solo en comparar los tratamientos en cuanto a sus medias poblacionales, sino compararlos con respecto a sus varianzas.
- Se quiere decidir si los tratamientos son iguales estadísticamente en cuanto a sus medias, frente a la alternativa de que al menos dos de ellos sean diferentes.
- La hipótesis fundamental a probar cuando se comparan varios tratamientos es:

$$H_0 : \mu_1 = \mu_2 = \dots = \mu_k = \mu$$

$$H_A : \mu_i \neq \mu_j \text{ para algún } i \neq j$$



Diseño completamente al azar y ANOVA



- Un diseño se llama *completamente al azar* porque todas las corridas experimentales se realizan en orden aleatorio completo.
- Así, durante el experimento las N pruebas se corren al azar, de manera que los posibles efectos ambientales y temporales se vayan repartiendo equitativamente entre los tratamientos.

Tratamientos				
T_1	T_2	T_3	...	T_k
Y_{11}	Y_{21}	Y_{31}	...	Y_{k1}
Y_{12}	Y_{22}	Y_{32}	...	Y_{k2}
Y_{13}	Y_{23}	Y_{33}	...	Y_{k3}
\vdots	\vdots	\vdots	\ddots	\vdots
Y_{1n_1}	Y_{2n_2}	Y_{3n_3}	...	Y_{kn_k}



Aspectos teóricos



- Supóngase que se tienen k poblaciones o tratamientos, independientes y con medias desconocidas $\mu_1, \mu_2, \dots, \mu_k$ así como varianzas desconocidas que se suponen iguales $\sigma^2_1 = \sigma^2_2 = \dots = \sigma^2_k = \sigma^2$
- Las poblaciones pueden ser k métodos de producción, k tratamientos, k grupos, etc., y sus medias se refieren o son medidas en términos de la variable de respuesta.
- Se decide realizar un experimento completamente al azar para comparar las poblaciones, en principio mediante la hipótesis de igualdad de medias.



- El número de tratamientos k es determinado por el investigador y depende del problema particular de que se trata.
- El número de observaciones por tratamiento (n) debe escogerse con base en la variabilidad que se espera observar en los datos, así como en la diferencia mínima que el experimentador considera que es importante detectar.
- Con este tipo de consideraciones, por lo general se recomiendan entre 5 y 30 mediciones en cada tratamiento.
- Por ejemplo, se usa $n = 10$ cuando las mediciones dentro de cada tratamiento tienen un comportamiento consistente (con poca dispersión). En el otro extremo, se recomienda $n = 30$ cuando las mediciones muestran bastante dispersión.
- Cuando es costoso o tardado realizar las pruebas para cada tratamiento se puede seleccionar un número menor de repeticiones, con lo cual sólo se podrán detectar diferencias grandes entre los tratamientos.
- Cuando $n_i = n$ para toda i se dice que el *diseño es balanceado*.

- Las observaciones obtenidas de cada tratamiento se podrán describir con el modelo lineal estadístico:

$$Y_{ij} = \mu + \tau_i + \varepsilon_{ij}$$

- Donde μ es la media global que es común a cada tratamiento, τ_i que es relativo al tratamiento i y ε_{ij} es el error atribuible a la medición Y_{ij} .
- Este modelo implica que en el diseño completamente al azar actuarían a lo más dos fuentes de variabilidad: los *tratamientos* y el *error aleatorio*.
- La media global μ de la variable de respuesta no se considera una fuente de variabilidad por ser una constante común a todos los tratamientos, que hace las veces de punto de referencia con respecto al cual se comparan las respuestas medias de los tratamientos.

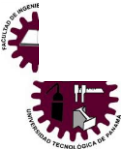
Diferencias entre prueba "t" y ANOVA

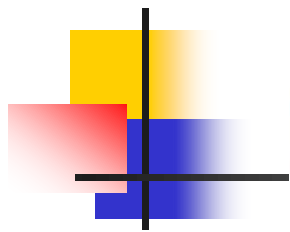
- El Test "t" es muy útil para muestras pequeñas y para establecer la diferencia entre las Medias Aritméticas de dos variables solamente.
- ANOVA amplía el rango del "t" test para determinar si las medias de varios grupos, no sólo de dos, son o no iguales.

Análisis de varianza (ANOVA) para el diseño completamente al azar



- El *análisis de varianza* (ANOVA) es la técnica central en el análisis de datos experimentales.
- Su objetivo es separar la variación total en las partes con las que contribuye cada fuente de variación en el experimento, en otras palabras la variabilidad debida a los tratamientos y al error.
- Cuando los tratamientos no dominan contribuyen igual o menos que el error, se concluye que las medias son iguales
- Cuando los tratamientos predominan “claramente” sobre el error, es cuando se concluye que los tratamientos tienen efecto y las medias son diferentes.





a) Variabilidad total



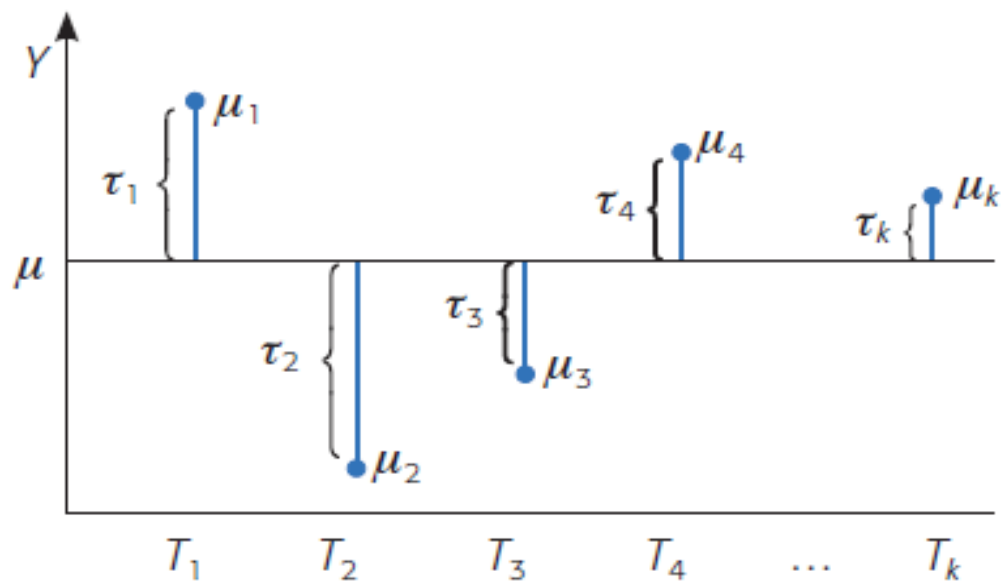
No hay efecto de tratamiento

b) Variabilidad total



Sí hay efecto de tratamiento

Variación total de los componentes en un diseño completamente aleatorio



Efecto de los tratamientos en un diseño completamente aleatorio

Hipótesis en ANOVA

- El objetivo del análisis de varianza en el DCA es probar la hipótesis de igualdad de los tratamientos con respecto a la media de la correspondiente variable de respuesta:

$$H_0 : \mu_1 = \mu_2 = \dots = \mu_k = \mu$$

$$H_A : \mu_i \neq \mu_j \text{ para algún } i \neq j$$

- la cual se puede escribir en forma equivalente como:

$$H_0 : \tau_1 = \tau_2 = \dots = \tau_k = 0$$

$$H_A : \tau_i \neq 0 \text{ para algún } i$$

- Si se acepta H_0 se confirma que los efectos sobre la respuesta de los k tratamientos son estadísticamente nulos y en caso de rechazar se estaría concluyendo que al menos un efecto es diferente de cero.

Notación de puntos:



$Y_{i\cdot}$ = Suma de las observaciones del tratamiento i .

$\bar{Y}_{i\cdot}$ = Media de las observaciones del i -ésimo tratamiento.

$Y_{\cdot\cdot}$ = Suma total de las $N = n_1 + n_2 + \dots + n_k$ mediciones.

$\bar{Y}_{\cdot\cdot}$ = Media global o promedio de todas las observaciones.

$$Y_{i\cdot} = \sum_{j=1}^{n_i} Y_{ij}; \bar{Y}_{i\cdot} = \frac{\sum_{j=1}^{n_i} Y_{ij}}{n_i}; Y_{\cdot\cdot} = \sum_{i=1}^k \sum_{j=1}^{n_i} Y_{ij} \quad N = \sum_{i=1}^k n_i$$

$$\bar{Y}_{\cdot\cdot} = \frac{Y_{\cdot\cdot}}{N}; i = 1, 2, \dots, k$$

$$SC_T = \sum_{i=1}^k n_i (\bar{Y}_{i\cdot} - \bar{Y}_{\cdot\cdot})^2 + \sum_{i=1}^k \sum_{j=1}^{n_i} (Y_{ij} - \bar{Y}_{i\cdot})^2$$

donde el primer componente es la *suma de cuadrados de tratamientos* (SC_{TRAT}) y el segundo es la *suma de cuadrados del error* (SC_E).



Tabla de ANOVA para un diseño completamente al azar

<i>FV</i>	<i>SC</i>	<i>GL</i>	<i>CM</i>	F_0	Valor- <i>p</i>
Tratamientos	$SC_{TRAT} = \sum_{i=1}^k \frac{Y_{i\cdot}^2}{n_i} - \frac{Y_{\cdot\cdot}^2}{N}$	$k - 1$	$CM_{TRAT} = \frac{SC_{TRAT}}{k - 1}$	$\frac{CM_{TRAT}}{CM_E}$	$P(F > F_0)$
Error	$SC_E = SC_T - SC_{TRAT}$	$N - k$	$CM_E = \frac{SC_E}{N - k}$		
Total	$SC_T = \sum_{i=1}^k \sum_{j=1}^{n_i} Y_{ij}^2 - \frac{Y_{\cdot\cdot}^2}{N}$	$N - 1$			

ANOVA supone que la variable de respuesta se distribuye *normal*, con *varianza constante* (los tratamientos tienen varianza similar), y que las mediciones son *independientes* entre sí. Estos supuestos deben verificarse para estar más seguros de las conclusiones obtenidas.

La prueba de diferencia mínima significativa LSD



- ANOVA tiene como objetivo probar la hipótesis

$$H_0 : \mu_1 = \mu_2 = \dots = \mu_k = \mu$$

$$H_A : \mu_i \neq \mu_j \text{ para algún } i \neq j$$

- Se podría pensar que una forma de probar la hipótesis nula es mediante pruebas T de Student aplicadas a todos los posibles pares de medias.
- Esta requiere de $\frac{k(k-1)}{2}$ comparaciones, donde k es la cantidad de tratamientos.
- Una alternativa es utilizar la Diferencia Mínima Significativa (LSD).
- Es la diferencia mínima que debe haber entre dos medias muestrales para considerar que dos tratamientos son diferentes.



- En el LSD, el estadístico de prueba para cada hipótesis es la correspondiente diferencia en el valor absolutos entre sus medias muestrales, tal que se rechaza la hipótesis H_0 si:

$$|\bar{Y}_{i\cdot} - \bar{Y}_{j\cdot}| > t_{\alpha/2, N-k} \sqrt{CM_E \left(\frac{1}{n_i} + \frac{1}{n_j} \right)} = LSD$$

- Si el diseño es balanceado, en otras palabras, si $n_1 = n_2 = \dots = n_k = n$

$$LSD = t_{\alpha/2, N-k} \sqrt{2CM_E / n}$$

Otras pruebas posteriores de comparación de medias



- **Método de Tukey:** es un método más conservador que el LSD.
- Consiste en comparar medias muestrales con el valor crítico dado por:

$$T_{\alpha} = q_{\alpha} (k, N - k) \sqrt{CM_E / n_i}$$

- Donde CM_E es el cuadrado medio del error, n es el número de observaciones, $N-k$ son los grados de libertad para el error, α es el nivel de significancia y $q_{\alpha}(k, N-k)$ es un estadístico estandarizado de puntos porcentuales.



Otras pruebas posteriores de comparación de medias



- **Método de Duncan:** En este caso, si las k muestras son de igual tamaño, los k promedios se acomodan en orden ascendente y el error estándar de los promedios se determina como:

$$S_{\bar{Y}_i} = \sqrt{\frac{CM_E}{n}}$$

- Con los $k-1$ grados de libertad se obtienen los rangos de significancia $R_p = r_\alpha(p, l)S_{\bar{y}}$, para todo $p = 2, 3, \dots, k$



Ejemplo



- Se tienen que probar cuatro posibles tratamientos sobre cierto material. La dureza del material después de los procesos se da a continuación. Se desea saber si hay diferencias entre los tratamientos.:

A	B	C	D
6	7	11	10
8	9	16	12
7	10	11	11
8	8	13	9



Análisis de la varianza

Variable	N	R ²	R ² Aj	CV
Dureza	16	0.70	0.63	16.08

Cuadro de Análisis de la Varianza (SC tipo III)

F.V.	SC	gl	CM	F	p-valor
Modelo.	69.50	3	23.17	9.42	0.0018
Tratamiento	69.50	3	23.17	9.42	0.0018
Error	29.50	12	2.46		
Total	99.00	15			

Test:LSD Fisher Alfa=0.05 DMS=2.41560

Error: 2.4583 gl: 12

Tratamiento	Medias	n	E.E.	
C	12.75	4	0.78	A
D	10.50	4	0.78	A B
B	8.50	4	0.78	B C
A	7.25	4	0.78	C

Medias con una letra común no son significativamente diferentes (p > 0.05)

Test:Tukey Alfa=0.05 DMS=3.29156

Error: 2.4583 gl: 12

Tratamiento	Medias	n	E.E.	
C	12.75	4	0.78	A
D	10.50	4	0.78	A B
B	8.50	4	0.78	B
A	7.25	4	0.78	B

Medias con una letra común no son significativamente diferentes (p > 0.05)

Test:Duncan Alfa=0.05

Error: 2.4583 gl: 12

Tratamiento	Medias	n	E.E.	
C	12.75	4	0.78	A
D	10.50	4	0.78	A B
B	8.50	4	0.78	B C
A	7.25	4	0.78	C

Medias con una letra común no son significativamente diferentes (p > 0.05)

Caso	Tratamiento	Dureza
1	A	6
2	A	8
3	A	7
4	A	8
5	B	7
6	B	9
7	B	10
8	B	8
9	C	11
10	C	16
11	C	11
12	C	13
13	D	10
14	D	12
15	D	11
16	D	9

Prueba T para muestras Independientes

Clasific	Variable	Grupo 1	Grupo 2	n(1)	n(2)	Media(1)	Media(2)	Media(1)-Media(2)	LI(95)	LS(95)	pHomVar	T	p-valor	prueba
Tratamiento	Dureza	{A}	{B}	4	4	7.25	8.50	-1.25	-3.22	0.72	0.6356	-1.56	0.1708	Bilateral
Tratamiento	Dureza	{A}	{C}	4	4	7.25	12.75	-5.50	-8.62	-2.38	0.1720	-4.31	0.0050	Bilateral
Tratamiento	Dureza	{A}	{D}	4	4	7.25	10.50	-3.25	-5.22	-1.28	0.6356	-4.04	0.0068	Bilateral
Tratamiento	Dureza	{B}	{C}	4	4	8.50	12.75	-4.25	-7.54	-0.96	0.3473	-3.16	0.0196	Bilateral
Tratamiento	Dureza	{B}	{D}	4	4	8.50	10.50	-2.00	-4.23	0.23	>0.9999	-2.19	0.0710	Bilateral
Tratamiento	Dureza	{C}	{D}	4	4	12.75	10.50	2.25	-1.04	5.54	0.3473	1.67	0.1457	Bilateral